

В ДИССЕРТАЦИОННЫЙ СОВЕТ 24.1.239.01,  
созданный на базе ИЦиГ СО РАН

Я, Кулаковский Иван Владимирович даю согласие выступить официальным  
оппонентом по диссертации

Белокопытовой Полины Станиславовны на тему: «Разработка и оценка точности  
предсказательных моделей трехмерной укладки хроматина млекопитающих»,  
представленной на соискание ученой степени **кандидата** (доктора) по специальности  
1.5.8. – математическая биология, биоинформатика (биологические науки).

Место и адрес работы: 142290 Пущино, Институтская 4, Институт белка РАН

---

Должность: ведущий научный сотрудник

Ученая степень: доктор наук по специальности

03.01.09 – «Математическая биология, биоинформатика»

Ученое звание: \_\_\_\_\_

Сот. Телефон: +7 905 747 10 27

Согласен на обработку моих персональных данных. Информирован о том, что отзыв  
официального оппонента должен быть датирован за 15 дней и выставлен на  
официальном сайте Института за 10 дней до защиты (п. 23 Положения о присуждении  
ученых степеней).

Список публикаций по теме оппонируемой диссертации за последние 5 лет  
прилагается отдельным файлом.

Подпись:

12 сентября 2023

Подпись Кулаковского И.В. удостоверяю:

## СПИСОК ПУБЛИКАЦИЙ д.б.н. КУЛАКОВСКОГО И.В.

1. (2023) D. Penzar, D. Nogina, E. Noskova, A. Zinkevich, G. Meshcheryakov, A. Lando, A.M. Rafi, C. de Boer, I.V. Kulakovskiy. LegNet: a best-in-class deep learning model for short DNA regulatory regions. *Bioinformatics*, 39(8), btad457, doi:10.1093/bioinformatics/btad457
2. (2023) R.M. Deviatiiarov, A. Gams, I.V. Kulakovskiy, A. Buyan, G. Meshcheryakov, R. Syunyaev, R. Singh, P. Shah, T.V. Tatarinova, O. Gusev, I.R. Efimov. An atlas of transcribed human cardiac promoters and enhancers reveals an important role of regulatory elements in heart failure. *Nature Cardiovascular Research*, 2, 58-75, doi:10.1038/s44161-022-00182-x
3. (2023) A.N. Uvarova, E.M. Stasevich, A.S. Ustiugova, N.A. Mitkin, E.A. Zheremyan, S.A. Sheetikov, K.V. Zornikova, A.V. Bogolyubova, M.A. Rubtsov, I.V. Kulakovskiy, D.V. Kuprash, K.V. Korneev, A. M. Schwartz. rs71327024 Associated with COVID-19 Hospitalization Reduces CXCR6 Promoter Activity in Human CD4+ T Cells via Disruption of c-Myb Binding. *Int. J. Mol. Sci.*, 24, 13790. doi:10.3390/ijms241813790
4. (2023) D. Marakulina, I.E. Vorontsov, I.V. Kulakovskiy, A. Lennartsson, F. Drabløs, Y.A. Medvedeva. EpiFactors 2022: expansion and enhancement of a curated database of human epigenetic factors and complexes, *Nucleic Acids Research*, gkac989, doi:10.1093/nar/gkac989
5. (2023) M. Erokhin, J.L. Brown, D. Lomaev, N.E. Vorobyeva, L. Zhang, L.V. Fab, M.Yu. Mazina, I.V. Kulakovskiy, R.H. Ziganshin, P. Schedl, P. Georgiev, M. Sun, J.A. Kassis, D. Chetverina. Crol contributes to PRE-mediated repression and Polycomb group proteins recruitment in *Drosophila*, *Nucleic Acids Research*, 51(12), 6087–6100, doi:10.1093/nar/gkad336
6. (2023) A.S. Anisimova, N.M. Kolyupanova, N.E. Makarova, A.A. Egorov, I.V. Kulakovskiy, S.E. Dmitriev. Human Tissues Exhibit Diverse Composition of Translation Machinery, *Int. J. Mol. Sci.* 24(9), 8361. doi:10.3390/ijms24098361
7. (2022) A. Boytsov, S. Abramov, A.Z. Aiusheeva, A.M. Kasianova, E. Baulin, I.A. Kuznetsov, Y.S. Aulchenko, S. Kolmykov, I. Yevshin, F. Kolpakov, I.E. Vorontsov, V.J. Makeev, I.V. Kulakovskiy. ANANASTRA: annotation and enrichment analysis of allele-specific transcription factor binding at SNPs. *Nucleic Acids Research*, gkac262, doi:10.1093/nar/gkac262
8. (2022) A. Boytsov, S. Abramov, V.J. Makeev, I.V. Kulakovskiy. Positional weight matrices have sufficient prediction power for analysis of noncoding variants. *F1000*, 11:33, doi:10.12688/f1000research.75471.3
9. (2022) M. Kuiper, J. Bonello, J.T. Fernández-Breis, P. Bucher, M.E. Futschik, P. Gaudet, I.V. Kulakovskiy, L. Licata, C. Logie, R.C. Lovering, V.J. Makeev, S. Orchard, S. Panni, L. Perfetto, D. Sant, S. Schulz, S. Vercruyse, D.R. Zerbino, A. Læg Reid. The gene regulation knowledge commons: the action area of GREEKC. *BBA - Gene Regulatory Mechanisms*, 1865(1):194768, doi:10.1016/j.bbagr.2021.194768
10. (2022) V.V. Smirnova, E.D. Shestakova, D.S. Nogina, P.A. Mishchenko, T.A. Prikazchikova, T.S. Zatsepin, I.V. Kulakovskiy, I.N. Shatsky, I.M. Terenin. Ribosomal leaky scanning through a translated uORF requires eIF4G2. *Nucleic Acids Research*, gkab1286, doi:10.1093/nar/gkab1286
11. (2022) I.A. Eliseeva, E.M. Sogorina, E.A. Smolin, I.V. Kulakovskiy, D.N. Lyabin. Diverse Regulation of YB-1 and YB-3 Abundance in Mammals. *Biochemistry (Moscow)*, 87(1):S48-S70, doi:10.1134/S000629792214005X
12. (2022) E.A. Smolin, A.I. Buyan, D.N. Lyabin, I.V. Kulakovskiy, Irina A Eliseeva. RNA-Seq data of ALKBH5 and FTO double knockout HEK293T human cells, *Data in Brief*, 42:108187, doi:10.1016/j.dib.2022.108187
13. (2021) A.S. Ershova, I.A. Eliseeva, O.S. Nikonov, A.D. Fedorova, I.E. Vorontsov, D. Papatsenko, I.V. Kulakovskiy. Enhanced C/EBP binding to G·T mismatches facilitates fixation of CpG mutations in cancer and adult stem cells. *Cell Reports*, 35(10):109221, doi:10.1016/j.celrep.2021.109221
14. (2021) S. Abramov, A. Boytsov, D. Bykova, D.D. Penzar, I. Yevshin, S.K. Kolmykov, M.V. Fridman, A.V. Favorov, I.E. Vorontsov, E. Baulin, F. Kolpakov, V.J. Makeev, I.V. Kulakovskiy. Landscape of allele-specific transcription factor binding in the human genome. *Nature Communications*, 12:2751, doi:10.1038/s41467-021-23007-0
15. (2021) R.C. Lovering, P. Gaudet, M.L. Acencio, A. Ignatchenko, A. Jolma, O. Fornes, M. Kuiper, I.V. Kulakovskiy, A. Læg Reid, M.J. Martin, C. Logie. A GO catalogue of human DNA-binding transcription factors. *BBA - Gene Regulatory Mechanisms*, 1864(11-12):194765, doi:10.1016/j.bbagr.2021.194765