

**МИНИСТЕРСТВО НАУКИ И ВЫСШЕГО ОБРАЗОВАНИЯ  
РОССИЙСКОЙ ФЕДЕРАЦИИ**



**Федеральное государственное бюджетное учреждение науки  
Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова  
Российской академии наук  
(ИОГен РАН)**

ул. Губкина, д. 3, г. Москва, ГСП-1, 119991  
Тел.: (499) 135-62-13, (499) 135-20-41  
Факс: (499) 132-89-62

E-mail: [iogen@vigg.ru](mailto:iogen@vigg.ru)  
<http://www.vigg.ru>

05.07.2021

№ 92 - 02-13/224

В диссертационный совет 24.1.239.01

На № \_\_\_\_\_

ФГБНУ «Федеральный  
исследовательский центр

Институт цитологии и генетики СО РАН»

академику РАН

Шумному В.К.

**Согласие ведущей организации**

Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова Российской академии наук согласен выступить в качестве ведущей организации по диссертационной работе Вибе Даниила Станиславовича на тему: : «Выявление взаимосвязи между величинами изменения экспрессии и функциями дифференциально экспрессирующихся генов на основе компьютерного анализа транскриптомов арабидопсиса и человека» на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.8 - математическая биология, биоинформатика

Приложение: сведения о ведущей организации

ВРИО Директора ИОГен РАН



Брускин С.А.

## Сведения

О ведущей организации, по диссертации на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.8 - математическая биология, биоинформатика Вибе Даниила Станиславовича

на тему: «Выявление взаимосвязи между величинами изменения экспрессии и функциями дифференциально экспрессирующихся генов на основе компьютерного анализа транскриптомов арабидопсиса и человека»

Полное наименование организации:	Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова Российской академии наук
Сокращенное наименование организации:	ИОГен РАН
Место нахождения:	город Москва
Почтовый адрес с индексом:	119991, ГСП-1 Москва, ул. Губкина д.3
Телефон:	+7(499) 135-62-13
e-mail:	<a href="mailto:iogen@vigg.ru">iogen@vigg.ru</a>
Фамилия, имя, отчество, ученая степень, ученое звание, должность руководителя ведущей организации:	Кудрявцев Александр Михайлович доктор биологических наук, член-корреспондент РАН, директор ИОГен РАН
Адрес официального сайта в сети «Интернет» (при наличии):	<a href="http://vigg.ru/">http://vigg.ru/</a>
Лаборатории, Кафедры или другие научные подразделения, деятельность которых связана с научным направлением диссертации:	Лаборатория системной биологии и вычислительной генетики

Список основных публикаций работников ведущей организации по теме диссертации в рецензируемых изданиях за последние 5 лет прилагается.

Даем согласие на размещение персональных данных на официальном сайте ИЦиГ СО РАН и в единой информационной системе, включение персональных данных в аттестационное дело и их дальнейшую обработку.

Ведущая организация подтверждает, что соискатель и его научный руководитель (консультант) не являются ее сотрудниками, а также в ведущей организации не ведутся научно-исследовательские работы, по которым соискатель ученой степени является руководителем или работником организации - заказчика или исполнителем (соисполнителем).

Ф.И.О., должность лица,  
ответственного за подачу сведений



Брускин С.А.  
ВРИО Директора ИОГен РАН

## Список основных публикаций

Публикации индексируемые базами данных Web of Science, Scopus:

- 1) Kolmykov S., Yevshin I., Kulyashov M., Sharipov R., Kondrakhin Y., **Makeev V. J.**, ..., Kolpakov F. (2021). GTRD: an integrated view of transcription regulation. *Nucleic Acids Research*, 49(D1), D104-D111.
- 2) Sethi, S., Vorontsov, I. E., Kulakovskiy, I. V., Greenaway, S., Williams, J., **Makeev, V. J.**, ... Mallon, A. M. (2020). A holistic view of mouse enhancer architectures reveals analogous pleiotropic effects and correlation with human disease. *BMC genomics*, 21(1), 1-22.
- 3) Ambrosini G., Vorontsov I., Penzar D., Groux R., Fornes O., Nikolaeva D.D., ... **Makeev V.**, Kulakovskiy I., Bucher P. (2020). Insights gained from a comprehensive all-against-all transcription factor binding motif benchmarking study. *Genome biology*, 21, 1-18.
- 4) Ramilowski, J. A., Yip, C. W., Agrawal, S., Chang, J. C., Ciani, Y., Kulakovskiy, I. V., **Makeev V.**, ... Carninci, P. (2020). Functional annotation of human long noncoding RNAs via molecular phenotyping. *Genome research*, 30(7), 1060-1072.
- 5) Penzar, D. D., Zinkevich, A. O., Vorontsov, I. E., Sitnik, V. V., Favorov, A. V., **Makeev, V. J.**, Kulakovskiy, I. V. (2019). What do neighbors tell about you: The local context of cis-regulatory modules complicates prediction of regulatory variants. *Frontiers in genetics*, 10, 1078.
- 6) Vorontsov, I. E., Fedorova, A. D., Yevshin, I. S., Sharipov, R. N., Kolpakov, F. A., **Makeev, V. J.**, Kulakovskiy, I. V. (2018). Genome-wide map of human and mouse transcription factor binding sites aggregated from ChIP-Seq data. *BMC research notes*, 11(1), 1-3.
- 7) Kulakovskiy, I. V., Vorontsov, I. E., Yevshin, I. S., Sharipov, R. N., Fedorova, A. D., Rumynskiy, E. I., ... **Makeev, V. J.** (2018). HOCOMOCO: towards a complete collection of transcription factor binding models for human and mouse via large-scale ChIP-Seq analysis. *Nucleic acids research*, 46(D1), D252-D259.
- 8) De Rie, D., Abugessaisa, I., Alam, T., Arner, E., Arner, P., Ashoor, H., **Makeev V.**, ... , de Hoon, M. J. (2017). An integrated expression atlas of miRNAs and their promoters in human and mouse. *Nature biotechnology*, 35(9), 872-878.
- 9) Afanasyeva M.A., Putlyaeva L.V., Demin D.E., Kulakovskiy I.V., Vorontsov I.E., Fridman M.V., **Makeev V.J.**, Kuprash D.V., Schwartz A.M. (2017). The single nucleotide variant rs12722489 determines differential estrogen receptor binding and enhancer properties of an IL2RA intronic region. *PLoS One*, 12(2), e0172681.