

**Избранные публикации сотрудников ведущего учреждения  
ФГБНУ Центрального сибирского ботанического сада СО РАН  
за 2012-2017 гг.**

1. Shekhovtsov S. V., Shekhovtsova I. N., Peltek S. E. Phylogeny of Siberian species of *Carex* sect. *Vesicariae* based on nuclear and plastid markers // *Nordic journal of botany*. 2012. Т. 30. №. 3. С. 343-351.
2. Zvyagina N. S., Dorogina O. V. Genetic differentiation of Altai-Sayan endemic *Hedysarum theinum* Krasnob.(Fabaceae) evaluated by inter-simple sequence repeat analysis // *Russian journal of genetics*. 2013. Т. 49. №. 10. С. 1030-1035.
3. Шмаков Н.А., Афонников Д.А., Белавин П.А., Агафонов А.В. Эффективность использования генов *VMY2*, *WAXY* и внутренних транскрибируемых спейсеров генов рибосомных РНК в качестве маркеров для изучения генетического разнообразия видов рода *Elymus* // *Вавиловский журнал генетики и селекции*. 2014. Т. 18. № 4/2. С. 1022–1031.
4. Кобозева Е.В., Олонова М.В., Асбаганов С.В., Агафонов А.В. Полиморфизм и специфичность *StY*-геномных видов *Elymus gmelinii* и *E. pendulinus* (Triticeae, Poaceae) на территории Азиатской части России // *Растительный мир Азиатской России*. 2015. № 2 (18) С. 45–55.
5. Эрст А. С., Ваулин О. В. Филогенетические отношения некоторых видов рода *Aquilegia* Северной Азии по различным ДНК-маркерам // *Вавиловский журнал генетики и селекции*. 2015. Т. 17. №. 3. С. 477-486.
6. Агафонов А.В., Кобозева Е.В., Татьков С.И. Отсутствие генетической интрогрессии между *Elymus ciliaris* и *E. pendulinus* (Triticeae: Poaceae) по результатам SDS-электрофореза белков эндосперма в связи с гипотезами происхождения *E. amurensis* // *Вавиловский журнал генетики и селекции*. 2015. Т. 19. № 1. С. 97–103.
7. Xiang K. L., Wu S. D., Yu S. X., Liu Y., Jabbour F., Erst A. S., Zhao L., Wang W., Chen Z. D. The first comprehensive phylogeny of *Coptis* (Ranunculaceae) and its implications for character evolution and classification // *PLoS One*. 2016. Т. 11. №. 4. С. e0153127.
8. Mandák B., Krak K., Vít P., Pavlíková Z., Lomonosova M. N., Habibi F., Wang L., Jellen E. N., Douda J. How genome size variation is linked with evolution within *Chenopodium sensu lato* // *Perspectives in Plant Ecology Evolution and Systematics*. 2016. Т. 23. С. 18-32.
9. Vít P., Krak K., Trávníček P., Douda J., Lomonosova M. N., Mandák B. Genome size stability across Eurasian *Chenopodium* species (Amaranthaceae) // *Botanical Journal of the Linnean Society*. 2016. Т. 182. № 3. С. 637-649.
10. Xiang K. L., Zhao L., Erst A. S., Yu S. X., Jabbour F., Wang W. A molecular phylogeny of *Dichocarpum* (Ranunculaceae): implications for eastern Asian biogeography. // *Molecular phylogenetics and evolution*. 2017. Т. 107. С. 594-604.
11. Кобозева Е.В., Асбаганов С.В., Агафонов А.В. Изменчивость ISSR-маркеров и оценка наследования диагностических признаков среди *StY*-геномных видов

*Elymus pendulinus*, *E. brachypodioides* и *E. vernicosus* (Poaceae: Triticeae). // Вавиловский журнал генетики и селекции. 2017. Т. 21. № 1. С. 135–145.