

**МИНИСТЕРСТВО НАУКИ И ВЫСШЕГО ОБРАЗОВАНИЯ
РОССИЙСКОЙ ФЕДЕРАЦИИ**



**Федеральное государственное бюджетное учреждение науки
Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова
Российской академии наук
(ИОГен РАН)**

ул. Губкина, д. 3, г. Москва, ГСП-1, 119991

Тел.: (499) 135-62-13, (499) 135-20-41

Факс: (499) 132-89-62

E-mail: iogen@vigg.ru
<http://www.vigg.ru>

10.01.2019 № 92 -02-13/04

На № _____

В диссертационный совет Д 003.011.01
ФГБНУ «Федеральный исследовательский центр
Институт цитологии и генетики СО РАН»
академику РАН Шумному В.К.

Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова Российской академии наук согласен выступить в качестве ведущей организации по диссертационной работе Стрыгиной Ксении Владимировны на тему: «Регуляция тканеспецифической экспрессии генов биосинтеза флавоноидов у видов трибы Triticeae» на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.02.07 – генетика

Приложение: сведения о ведущей организации

Зам. директора по научной работе, к.б.н.

С.А. Брускин



Сведения

О ведущей организации, по диссертации на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.02.07 – генетика,

Стрыгиной Ксении Владимировны на тему: «Регуляция тканеспецифической экспрессии генов биосинтеза флавоноидов у видов трибы Triticeae»

Полное наименование организации:	Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова Российской академии наук
Сокращенное наименование организации:	ИоГен РАН
Место нахождения:	г. Москва, ул.Губкина, д.3
Почтовый адрес с индексом:	119991, ГСП-1 Москва, ул.Губкина, д.3
Телефон:	(499) 135-62-13
e-mail:	iogen@vigg.ru
Фамилия, имя, отчество, ученая степень, ученое звание, должность руководителя ведущей организации:	Кудрявцев Александр Михайлович, доктор биологических наук
Адрес официального сайта в сети «Интернет» (при наличии):	vigg.ru
Лаборатории, Кафедры или другие научные подразделения, деятельность которых связана с научным направлением диссертации:	Лаборатория генетики растений, Лаборатория генетических основ идентификации растений, Лаборатория молекулярно-генетических основ иммунитета растений, Лаборатория эволюционной геномики, Лаборатория генетических основ биоразнообразия, Лаборатория функциональной геномики

Список основных публикаций работников ведущей организации по теме диссертации в рецензируемых изданиях за последние 5 лет (не более 15 публикаций) прилагается.

Даем согласие на размещение персональных данных на официальном сайте ИЦиГ СО РАН и в единой информационной системе, включение персональных данных в аттестационное дело и их дальнейшую обработку.

Ведущая организация подтверждает, что соискатель и его научный руководитель (консультант) не являются ее сотрудниками, а также в ведущей организации не ведутся научно-исследовательские работы, по которым соискатель ученой степени является руководителем или работником организации-заказчика или исполнителем (соисполнителем).

Зам. директора по научной работе , к.б.н.  С.А. Брускин

Список основных публикаций работников ведущей организации по теме диссертации в рецензируемых изданиях

1. Odintsova TI et al. Defensin-like peptides in wheat analyzed by whole-transcriptome sequencing: a focus on structural diversity and role in induced resistance // PEERJ – 2019 – 7 - e6125 - 10.7717/peerj.6125
2. Abdeeva IA et al. RNA-aptamers-As targeted inhibitors of protein functions in plants // JOURNAL OF PLANT PHYSIOLOGY – 2019 – 232 – 127-129
3. Ruban AS, Badaeva ED. Evolution of the S-Genomes in Triticum-Aegilops Alliance: Evidences From Chromosome Analysis // FRONTIERS IN PLANT SCIENCE – 2018 – v. 9 – 1756
4. Metakousky E et al. A catalog of gliadin alleles: Polymorphism of 20th-century common wheat germplasm // CROP JOURNAL – 2018 – v. 6 - №3 – p. 628-641
5. Tsvetkova NV et al. Two Rye Genes Responsible for Abnormal Development of Wheat-Rye Hybrids Are Linked in the Vicinity of an Evolutionary Translocation on Chromosome 6R // PLANTS-BASEL – 2018 – v.7 - №3 – 55
6. Novoselskaya-Dragovich AY et al. Analysis of genetic diversity and evolutionary relationships among hexaploid wheats Triticum L. using LTR-retrotransposon-based molecular markers – 2018 – v. 65 - №1 – P.187-198
7. Sheshukova EV et al. An Alternative Nested Reading Frame May Participate in the Stress-Dependent Expression of a Plant Gene // FRONTIERS IN PLANT SCIENCE – 2017 – v. 8 - №2137
8. Savelyeva E et al. Retrotransposon-based sequence-specific amplified polymorphism markers for the analysis of genetic diversity and phylogeny in Malus Mill. (Rosaceae) // GENETIC RESOURCES AND CROP EVOLUTION - 2017 – v.64 - № 7 – p.1499-1511
9. Tikhenco N et al. The changes in the reproductive barrier between hexaploid wheat (Triticum aestivum L.) and rye (Secale cereale L.): different states lead to different fates // PLANTA - 2017 – v. 246 - № 3 – p.377-388
10. Tikhenco N et al. Embryo lethality in wheat-rye hybrids: dosage effect and deletion bin mapping of the responsible wheat locus // BIOLOGIA PLANTARUM - 2017 – v.61 - №2 – p.342-348
11. Tatarinova TV et al., Nucleotide diversity analysis highlights functionally important genomic regions // SCIENTIFIC REPORTS – 2016 – v.6 - №35730
12. Badaeva ED et al. Molecular cytogenetic characterization of Triticum timopheevii chromosomes provides new insight on genome evolution of T-zhukovskyi // PLANT SYSTEMATICS AND EVOLUTION - 2016 – v. 302 - № 8 – p.943-956
13. Landjeva S et al. Genetic diversity of old bread wheat germplasm from the Black Sea region evaluated by microsatellites and agronomic traits // PLANT GENETIC RESOURCES-CHARACTERIZATION AND UTILIZATION - 2015 – v.13 - №2 – p.119-130
14. Tikhenco N et al. Hybrid dwarfness in crosses between wheat (Triticum aestivum L.) and rye (Secale cereale L.): a new look at an old phenomenon // PLANT BIOLOGY – 2015 – v.17 - №2 – p.320-326
15. Dobrovolskaya O et al. FRIZZY PANICLE Drives Supernumerary Spikelets in Bread Wheat // PLANT PHYSIOLOGY - 2015 – v.167 - №1 – p.189-199

Зам. директора по научной работе, к.б.н.



С.А. Брускин