

**Список основных публикаций работников ведущей организации
по теме оппонируемой диссертации**

1. Zagoskin M.V., Lazareva V.I., Grishanin A.K., Mukha D.V. Phylogenetic information content of Copepoda ribosomal DNA repeat units: ITS1 and ITS2 impact. *Biomed Res Int*. 2014. V. 2014. P. 926342. doi: 10.1155/2014/926342.
2. Bykova N.A., Favorov A.V., Mironov A.A. Hidden Markov models for evolution and comparative genomics analysis. *PLoS One*. 2013. V. 8. P. e65012. doi: 10.1371/journal.pone.0065012.
3. Vorontsov I.E., Kulakovskiy I.V., Makeev V.J. Jaccard index based similarity measure to compare transcription factor binding site models. *Algorithms Mol Biol*. 2013. V. 8. P. 23. doi: 10.1186/1748-7188-8-23.
4. Mukha D.V., Pasyukova E.G., Kapelinskaya T.V., Kagramanova A.S. Endonuclease domain of the *Drosophila melanogaster* R2 non-LTR retrotransposon and related retroelements: a new model for transposition. *Front Genet*. 2013. V. 4. P. 63. doi: 10.3389/fgene.2013.00063. eCollection 2013.
5. Nikulova A.A., Favorov A.V., Sutormin R.A., Makeev V.J., Mironov A.A. CORECLUST: identification of the conserved CRM grammar together with prediction of gene regulation. *Nucleic Acids Res*. 2012. V. 40. P. e93. doi: 10.1093/nar/gks235.
6. Kapelinskaia T.V., Kagramanova A.S., Korolev A.L., Mukha D.V. First open reading frame protein (ORF1p) of the *Blattella germanica* R1 retroposon and phylogenetically close GAG-like proteins of insects and fungi contain RRM domains. *Russian Journal of Genetics*. 2011. V. 47. P. 129-138.
7. Каграманова А.С., Капелинская Т. В., Королёв А.Л., Муха Д.В. Сравнительная характеристика доменной организации С-концевой области второй открытой рамки считывания двух подсемейств R1 ретропозонов рыжего таракана *Blattella germanica*. *Генетика*. 2010. Т. 46. № 8. С. 924-931.
8. Каграманова А.С., Королёв А.Л., Муха Д.В. Анализ наследования паттернов 5'-укороченных копий R2 ретротранспозонов рыжего таракана в индивидуальном скрещивании. *Генетика*. 2010. Т. 46. № 11. С. 1467–1472.