

## СВЕДЕНИЯ

о ведущей организации по диссертации Пономаренко М.П. на тему: «Компьютерный анализ контекстно-зависимых количественных характеристик специфической биологической активности сайтов в составе геномной ДНК» представленной на соискание ученой степени доктора биологических наук по специальности 03.01.09 «Математическая биология, биоинформатика».

Полное наименование организации:	Федеральное государственное учреждение «Федеральный исследовательский центр «Фундаментальные основы биотехнологии» Российской академии наук»
Сокращенное наименование организации:	ФИЦ Биотехнологии РАН
Почтовый индексом и адрес:	119071 Российская Федерация, г. Москва, Ленинский проспект, дом 33, строение 2
Телефон:	+7 (495) 954-52-83
e-mail:	info@fbras.ru
Адрес официального сайта в сети «Интернет»	<a href="http://fbras.ru">http://fbras.ru</a>
Руководитель ведущей организации:	Попов Владимир Олегович доктор химических наук член-корреспондент РАН директор

ФИЦ Биотехнологии РАН дает согласие на размещение персональных данных на официальном сайте <http://www.bionet.nsc.ru/> и в единой информационной системе, включение персональных данных в аттестационное дело и их дальнейшую обработку.

ФИЦ Биотехнологии РАН подтверждает, что соискатель и его научный руководитель (консультант) не являются ее сотрудниками, а также в ведущей организации не ведутся научно-исследовательские работы, по которым соискатель ученой степени является руководителем или работником организации-заказчика или исполнителем (соисполнителем).

Список основных публикаций работников ФИЦ Биотехнологии РАН по теме диссертации в рецензируемых изданиях за последние 5 лет:

1. de Rie D, Abugessaisa I, Alam T, Arner E, Arner P, Ashoor H, Åström G, Babina M, Bertin N, Burroughs AM, Carlisle AJ, Daub CO, Detmar M, Deviatiiarov R, Fort A, Gebhard C, Goldowitz D, Guhl S, Ha TJ, Harshbarger J, Hasegawa A, Hashimoto K, Herlyn M, Heutink P, Hitchens KJ, Hon CC, Huang E, Ishizu Y, Kai C, Kasukawa T, Klinken P, Lassmann T, Lecellier CH, Lee W, Lizio M, Makeev V, Mathelier A, Medvedeva YA, Mejhert N, Mungall CJ, Noma S, Ohshima M, Okada-Hatakeyama M, Persson H, Rizzu P, Roudnicky F, Sætrom P, Sato H, Severin J, Shin JW, Swoboda RK,

- Tarui H, Toyoda H, Vitting-Seerup K, Winteringham L, Yamaguchi Y, Yasuzawa K, Yoneda M, Yumoto N, Zabierowski S, Zhang PG, Wells CA, Summers KM, Kawaji H, Sandelin A, Rehli M; FANTOM Consortium, Hayashizaki Y, Carninci P, Forrest ARR, de Hoon MJL. An integrated expression atlas of miRNAs and their promoters in human and mouse. *Nat Biotechnol.* 2017 Sep;35(9):872-878. doi: 10.1038/nbt.3947. Epub 2017 Aug 21.
2. Frenkel FE, Korotkova MA, Korotkov EV. Database of Periodic DNA Regions in Major Genomes. *Biomed Res Int.* 2017;2017:7949287. doi: 10.1155/2017/7949287. Epub 2017 Jan 15.
  3. Artemov AV, Mugue NS, Rastorguev SM, Zhenilo S, Mazur AM, Tsygankova SV, Boulygina ES, Kaplun D, Nedoluzhko AV, Medvedeva YA, Prokhortchouk EB. Genome-Wide DNA Methylation Profiling Reveals Epigenetic Adaptation of Stickleback to Marine and Freshwater Conditions. *Mol Biol Evol.* 2017 Sep 1;34(9):2203-2213. doi: 10.1093/molbev/msx156.
  4. Pugacheva V, Korotkov A, Korotkov E. Search of latent periodicity in amino acid sequences by means of genetic algorithm and dynamic programming. *Stat Appl Genet Mol Biol.* 2016 Oct 1;15(5):381-400. doi: 10.1515/sagmb-2015-0079.
  5. Hon CC, Ramilowski JA, Harshbarger J, Bertin N, Rackham OJ, Gough J, Denisenko E, Schmeier S, Poulsen TM, Severin J, Lizio M, Kawaji H, Kasukawa T, Itoh M, Burroughs AM, Noma S, Djebali S, Alam T, Medvedeva YA, Testa AC, Lipovich L, Yip CW, Abugessaisa I, Mendez M, Hasegawa A, Tang D, Lassmann T, Heutink P, Babina M, Wells CA, Kojima S, Nakamura Y, Suzuki H, Daub CO, de Hoon MJ, Arner E, Hayashizaki Y, Carninci P, Forrest AR. An atlas of human long non-coding RNAs with accurate 5' ends. *Nature.* 2017 Mar 9;543(7644):199-204.
  6. Kulakovskiy IV, Vorontsov IE, Yevshin IS, Soboleva AV, Kasianov AS, Ashoor H, Ba-Alawi W, Bajic VB, Medvedeva YA, Kolpakov FA, Makeev VJ. (2016) HOCOMOCO: expansion and enhancement of the collection of transcription factor binding sites models. *Nucleic Acids Res.*, D1:D116-D125.
  7. Kulikov AV, Korostina VS, Kulikova EA, Fursenko DV, Akulov AE, Moshkin MP, Prokhortchouk EB. Knockout Zbtb33 gene results in an increased locomotion, exploration and pre-pulse inhibition in mice. *Behav Brain Res.* 2016 Jan 15;297:76-83. doi: 10.1016/j.bbr.2015.10.003. Epub 2015 Oct 22.
  8. A.Khamis, A.Hamilton, Y.Medvedeva, T.Alam, I.Alam, M.Essack, B.Umylny, B.Jankovic, N.Naeger, M.Suzuki, M.Harbers, G.Robinson, and V.Bajic (2015) Insights into the Transcriptional Architecture of Behavioral Plasticity in the Honey Bee *Apis mellifera*. *Scientific Reports*, Jun 15;5:11136
  9. Rastorguev SM, Nedoluzhko AV, Mazur AM, Gruzdeva NM, Volkov AA, Barmintseva AE, Mugue NS, Prokhortchouk EB. High-throughput SNP-genotyping analysis of the relationships among Ponto-Caspian sturgeon species. *Ecol Evol.* 2013 Aug;3(8):2612-8. doi: 10.1002/ece3.659. Epub 2013 Jul 1

Ученый секретарь  
ФИЦ Биотехнологии РАН  
к.б.н.



А.Ф.Орловский