

ОТЗЫВ

на автореферат диссертации Помазного Михаила Юрьевича
 «ТРАНСКРИПТОМНЫЙ АНАЛИЗ ТРЕМАТОДЫ *OPISTHORCHIS FELINEUS*»,
 представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук
 по специальности 03.02.07 – Генетика

Работа Помазного М.Ю. посвящена широкомасштабному анализу экспрессии белок-кодирующих генов трематоды *O. felineus* на уровне транскрипции. Выбранный для исследования вид распространен на территории России, Украины и Казахстана, где вызывает опасное хроническое заболевание описторхоз, причем встречаемость заболевания может достигать значительной доли локальной популяции. Поиск эффективных фармакологических препаратов для лечения данного заболевания затруднен из-за отсутствия знаний о молекулярно-биологической организации *O. felineus*. По этой причине тема представленной диссертационной работы является чрезвычайно актуальной.

Автором были использованы как стандартные молекулярно-биологические и биоинформатические методы исследования, так и современный подход массового параллельного секвенирования ДНК. Впервые получены сведения о транскриптоме *O. felineus*. Выявлено, что у *O. felineus* отсутствуют транскрипты, которые кодируют белки, участвующие в формировании пероксисом, синтезе полиаминов и метаболизме метионина. Установлены гены, дифференциально экспрессирующиеся на стадиях метацеркария и мариты, а также обнаружены транскрипты, кодирующие гранулиноподобные белки, которые отсутствуют у родственных видов. Кроме того, уточнены филогенетические связи внутри семейства описторхид.

Результаты опубликованы в международных рецензируемых журналах. Полученные автором данные могут быть использованы в институтах биологического и медицинского профиля. В автореферате ясно изложены актуальность и важность поставленных задач, полно представлены полученные диссертантом результаты.

В качестве замечания следует отметить небольшую небрежность в оформлении автореферата, а именно, наличие опечаток. Например, «..и поэтому называются «азиатскими» печеночные сосальщиками.» (стр. 1) или «..использовали программу Interproscan для классифицировать имеющиеся последовательности в терминах GO.» (стр. 7).

В целом, использованные методы адекватны поставленным задачам, выводы соответствуют полученным результатам, автор без сомнения заслуживает присуждения ученой степени кандидата биологических наук.

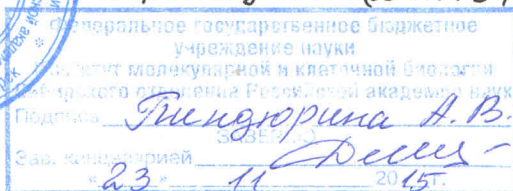
Зав. лабораторией клеточного деления
 Института молекулярной и
 клеточной биологии СО РАН, к.б.н.
 22 ноября 2015 г.



А.В. Пиндюрин



ул. Лаврентьева 8/2
 (383) 363-90-42
 a.pindyurin@mc.b.nsc.ru



вх 2171/116
 24.11.2015

г.н. Решеткина