

Сведения о ведущей организации по диссертации

Пирожковой Дарьи Сергеевны «Структурно-функциональная организация генов сапозин В-подобных белков у описторхид», предоставленной на соискание учёной степени кандидата биологических наук по специальности 03.02.07 – генетика.

Полное наименование организации:	Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт молекулярной и клеточной биологии Сибирского отделения Российской академии наук
Сокращенное наименование организации:	ИМКБ СО РАН
Место нахождения:	г. Новосибирск
Почтовый адрес с индексом:	630090, г. Новосибирск, пр. ак. Лаврентьева, 8/2
Телефон:	(383) 363-90-42
e-mail:	info@mcb.nsc.ru ,
Фамилия, имя, отчество, ученая степень, ученое звание, должность руководителя ведущей организации:	Директор д.б.н. Демаков Сергей Анатольевич
Адрес официального сайта в сети «Интернет» (при наличии):	https://www.mcb.nsc.ru
Лаборатории, Кафедры или другие научные подразделения, деятельность которых связана с научным направлением диссертации:	Отдел регуляции генетических процессов Отдел структуры и функции хромосом Отдел разнообразия и эволюции геномов Лаборатория иммуногенетики

Список основных публикаций работников ведущей организации по теме диссертации в рецензируемых изданиях за последние 5 лет (не более 15 публикаций) прилагается.

Даем согласие на размещение персональных данных на официальном сайте ИЦиГ СО РАН и в единой информационной системе, включение персональных данных в аттестационное дело и их дальнейшую обработку.

Ведущая организация подтверждает, что соискатель и его научный руководитель (консультант) не являются ее сотрудниками, а также в ведущей организации не ведутся научно-исследовательские работы, по которым соискатель ученой степени является руководителем или работником организации-заказчика или исполнителем (соисполнителем).

Ученый секретарь



к.б.н. Ахмерова Л.Г.

Основные публикации сотрудников за 5 лет по теме диссертации:

- 1) Boldyreva LV, Yarinich LA, Kozhevnikova EN, Ivakin AV, Lebedev MO, Pindyurin AV. Fine gene expression regulation by minor sequence variations downstream of the polyadenylation signal. *Mol Biol Rep* 48: 1539-1547, 2021
- 2) Kalashnikova DA, Maksimov DA, Romanov SE, Laktionov PP, Koryakov DE. SetDB1 and Su(var)3-9 play non-overlapping roles in somatic cell chromosomes of *Drosophila melanogaster*. *J Cell Sci* 134(2): jcs253096, 2021
- 3) Borisova MA, Snytnikova OA, Litvinova EA, Achasova KM, Babochkina TI, Pindyurin AV, Tsentalovich YuP, Kozhevnikova EN. Fucose ameliorates tryptophan metabolism and behavioral abnormalities in a mouse model of chronic colitis. *Nutrients* 12(2): 445, 2020
- 4) Kovynov IB, Titov SE, Ruzankin PS, Agakishiev MM, Veryaskina YA, Nedel'ko VM, Pospelova TI, Zhimulev IF. Profiling 25 bone marrow microRNAs in acute leukemias and secondary nonleukemic hematopoietic conditions. *Biomedicines* 8(12): 607, 2020
- 5) Pavlova GA, Popova JV, Andreyeva EN, Yarinich LA, Lebedev MO, Razuvayeva AV, Dubatolova TD, Oshchepkova AL, Pellacani C, Somma MP, Pindyurin AV, Gatti M. RNAi-mediated depletion of the NSL complex subunits leads to abnormal chromosome segregation and defective centrosome duplication in *Drosophila* mitosis. *PLoS Genet* 15(9): e1008371, 2019
- 6) Omelina ES, Ivakin AV, Letiagina AE, Pindyurin AV. Optimized PCR conditions minimizing the formation of chimeric DNA molecules from MPRA plasmid libraries. (doi: 10.1186/s12864-019-5847-2) *BMC Genomics* 20 (Suppl 7): 536, 2019
- 7) Gisler S, Gonçalves JP, Akhtar W, de Jong J, Pindyurin AV, Wessels LFA, van Lohuizen M. Multiplexed Cas9 targeting reveals genomic location effects and gRNA-based staggered breaks influencing mutation efficiency. *Nature Communications* 10: 1598, 2019
- 8) Guselnikov SV, Belovezhets TN, Kulemzin SV, Gorchakov AA, Taranin AV. A simple way to increase recovery of the expressed VH and VL genes in single-sorted human B cells. *BioTechniques* 67(4): 184-187, 2019
- 9) Andreyeva EN, Ogienko AA, Yushkova AA, Popova JV, Pavlova GA, Kozhevnikova EN, Ivakin AV, Gatti M, Pindyurin AV. Non3 is an essential *Drosophila* gene required for proper nucleolus assembly. *Вавиловский журнал генетики и селекции* 23(2): 190-198, 2019
- 10) Andreyeva EN, Ogienko AA, Dubatolova TD, Oshchepkova AL, Kozhevnikova EN, Ivakin AV, Pavlova GA, Kopyl SA, Pindyurin AV. A toolset to study functions of Cytosolic non-specific dipeptidase 2 (CNDP2) using *Drosophila* as a model organism. *BMC Genetics* 20(Suppl 1): 31, 2019
- 11) Volkova EI, Andreyenkova NG, Andreyenkov OV, Sidorenko DS, Zhimulev IF, Demakov SA. Structural and functional dissection of the 5' region of the Notch gene in *Drosophila melanogaster*. *Genes* 10(12): 1037, 2019
- 12) Pindyurin AV, Ilyin AA, Ivakin AV, Tselebrovsky MV, Nenasheva VV, Mikhaleva EA, Pagie L, van Steensel B, Shevelyov YY. The large fraction of heterochromatin in *Drosophila* neurons is bound by both B-type lamin and HP1a. *Epigenetics Chromatin* 11: 65, 2018
- 13) Ogienko AA, Yarinich LA, Fedorova EV, Lebedev MO, Andreyeva EN, Pindyurin AV, Baricheva EM. New slbo-Gal4 driver lines for the analysis of border cell migration during *Drosophila* oogenesis. *Chromosoma* 127(4): 475-487, 2018
- 14) Andreyeva EN, Bernardo TJ, Kolesnikova TD, Lu X, Yarinich LA, Bartholdy BA, Guo X, Posukh OV, Heaton S, Willcockson MA, Pindyurin AV, Zhimulev IF, Skoultschi AI, Fyodorov DV. Regulatory functions and chromatin loading dynamics of linker histone H1 during endoreplication in *Drosophila*.) *Genes Dev* 31: 603-616, 2017
- 15) Boldyreva LV, Goncharov FP, Demakova OV, Zykova TYu, Levitsky VG, Kolesnikov NN, Pindyurin AV, Semeshin VF, Zhimulev IF. Protein and genetic composition of four chromatin types in *Drosophila melanogaster* cell lines. *Curr Genomics* 18(2): 214-226, 2017

Ученый секретарь

к.б.н. Ахмерова Л.Г.

