

В ДИССЕРТАЦИОННЫЙ СОВЕТ 24.1.239.01,
созданный на базе ИЦиГ СО РАН

Я, Проскурякова Анастасия Андреевна даю согласие выступить официальным оппонентом по диссертации Малиновской Любови Петровны на тему: «Хромосома, специфичная для клеток зародышевого пути, у певчих воробьиных птиц», представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.7 – генетика

Место и адрес работы:

Институт Молекулярной и клеточной биологии СО РАН, Отдел эволюции и разнообразия геномов, Лаборатория цитогенетики животных

Должность: младший научный сотрудник

Ученая степень: кандидат биологических наук, 03.01.07 – молекулярная генетика

Ученое звание: без звания

Согласен на обработку моих персональных данных. Информирован о том, что отзыв официального оппонента должен быть датирован за 15 дней и выставлен на официальном сайте Института за 10 дней до защиты (п. 23 Положения о присуждении ученых степеней).

Список публикаций по теме оппонируемой диссертации (за последние 5 лет, не более 15 публикаций) прилагается отдельным файлом.

Подпись:
(заверенная)



Дата 6.12.21

А.А. Проскуряковой
С.Г. Дедова
06 декабря 21

Список публикаций оппонента к.б.н. Проскуряковой А.А. по теме оппонируемой диссертации:

1. Proskuryakova AA, Kulemzina AI, Perelman PL, Yudkin DV, Lemskaya NA, Okhlopkov IM, Kirillin EV, Farré M, Larkin DM, Roelke-Parker ME, O'Brien SJ, Bush M, Graphodatsky AS. Comparative chromosome mapping of musk ox and the X chromosome among some bovidae species. (doi: 10.3390/genes10110857). *Genes* 10(11): 857, 2019. IF:3.331
2. Farré M, Kim J, Proskuryakova AA, Zhang Y, Kulemzina AI, Li Q, Zhou Y, Xiong Y, Johnson JL, Perelman P, Johnson WE, Warren WC, Kukekova AV, Zhang G, O'Brien SJ, Ryder OA, Graphodatsky AS, Ma J, Lewin HA, Larkin DM. Evolution of gene regulation in ruminants differs between evolutionary breakpoint regions and homologous synteny blocks. (doi: 10.1101/gr.239863.118) *Genome Res* 29(4): 576-589, 2019. IF:9.944
3. Elbers JP, Rogers MF, Perelman PL, Proskuryakova AA, Serdyukova NA, Johnson WE, Horin P, Corander J, Murphy D, Burger PA. Improving Illumina assemblies with Hi- C and long reads: an example with the North African dromedary. (doi: 10.1111/1755-0998.13020) *Mol Ecol Resour* 19(4): 1015-1026, 2019. IF:7.049
4. Proskuryakova AA, Kulemzina AI, Perelman PL, Makunin AI, Larkin DM, Farré M, Kukekova AV, Johnson JL, Lemskaya NA, Beklemisheva VR, Roelke-Parker ME, Bellizzi J, Ryder OA, O'Brien SJ, Graphodatsky AS. X chromosome evolution in Cetartiodactyla. (doi: 10.3390/genes8090216). *Genes* 8(9): 216, 2017. IF:3.331
5. Beklemisheva VR, Perelman PL, Lemskaya NA, Proskuryakova AA, Serdyukova NA, Burkanov VN, Gorshunov MB, Ryder O, Thompson M, Lento G, O'Brien SJ, Graphodatsky AS. Karyotype evolution in 10 pinniped species: variability of heterochromatin versus high conservatism of euchromatin as revealed by comparative molecular cytogenetics. (doi: 10.3390/genes11121485) *Genes* 11(12): 1485, 2020. IF=3.759
6. Farré M, Li Q, Darolti I, Zhou Y, Damas J, Proskuryakova AA, Kulemzina AI, Chemnick LG, Kim J, Ryder OA, Ma J, Graphodatsky AS, Zhang G, Larkin DM, Lewin HA. An integrated chromosome-scale genome assembly of the Masai giraffe (*Giraffa camelopardalis tippelskirchi*). (doi: 10.1093/gigascience/giz090). *GigaScience* 8(8): giz090, 2019. IF:4.688
7. Lemskaya NA, Kulemzina AI, Beklemisheva VR, Biltueva LS, Proskuryakova AA, Hallenbeck JM, Perelman PP, Graphodatsky AS. A combined banding method that allows the reliable identification of chromosomes as well as differentiation of AT- and GC-rich heterochromatin. (doi: 10.1007/s10577-018-9589-9) *Chromosome Res* 26(4): 307-315, 2018. IF:2.183
8. Proskuryakova AA, Kulemzina AI, Perelman PL, Serdukova NA, Ryder OA, Graphodatsky AS. The case of X and Y localization of nucleolus organizer regions (NORs) in *Tragulus javanicus* (Cetartiodactyla, Mammalia). (doi: 10.3390/genes9060312) *Genes* 9(6): 312, 2018. IF:3.331
9. Билтуева ЛС, Перельман ПЛ, Проскурякова АА, Лемская НА, Сердюкова НА, Графодатский АС. Хромосомы индийского мунтжака (*Muntiacus muntjak*). Возвращение. (doi: 10.31857/S0041377120050016). *Цитология* 62(5): 316–321, 2020. IF:0.922
10. Никитин СВ, Князев СП, Трифионов ВА, Проскурякова АА, Шмидт ЮД, Шатохин КС, Запорожец ВИ, Башур ДС, Коршунова ЕВ, Ермолаев ВИ. Необычная врожденная полидактилия мини-свиней селекционной группы ИЦиГ СО РАН. (doi: 10.18699/VJ21.074) *Вавиловский журнал генетики и селекции* 25(6): 652-660, 2021
11. Scardino R, Milioto V, Proskuryakova AA, Serdyukova NA, Perelman PL, Dumas F. Evolution of the human chromosome 13 synteny: evolutionary rearrangements, plasticity, human disease genes and cancer breakpoints. (doi: 10.3390/genes11040383). *Genes* 11(4): 383, 2020. IF:3.331