



## Согласие ведущей организации

**ФЕДЕРАЛЬНОЕ ГОСУДАРСТВЕННОЕ  
БЮДЖЕТНОЕ УЧРЕЖДЕНИЕ НАУКИ  
ЗООЛОГИЧЕСКИЙ ИНСТИТУТ  
РОССИЙСКОЙ АКАДЕМИИ НАУК  
(ЗИН РАН)**

Университетская наб., д. 1, Санкт-Петербург, 199034

Тел.: (812) 328-03-11

Факс: (812) 328-29-41, (812) 328-02-21,  
(812) 714-04-44

E-mail: [admin@zin.ru](mailto:admin@zin.ru), [office@zin.ru](mailto:office@zin.ru),  
WWW: <http://www.zin.ru>

ОКПО 02698571, ОГРН 1027800535091,  
ИНН/КПП 7801043337/780101001

03.12.2021 № 12505-621.5/417

На № \_\_\_\_\_ от \_\_\_\_\_

В диссертационный совет 24.1.239.01

ФГБНУ «Федеральный  
исследовательский центр  
Институт цитологии и генетики СО РАН»  
академику РАН  
Шумному В.К.

Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Зоологический институт Российской академии наук согласен выступить в качестве ведущей организации по диссертационной работе Малиновской Любови Петровны на тему: «Хромосома, специфичная для клеток зародышевого пути, у певчих воробьиных птиц» на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.7 – генетика.

Приложение: сведения о ведущей организации

Директор ЗИН РАН, чл.-корр. РАН



## Сведения

О ведущей организации, по диссертации на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.7 – генетика Малиновской Любови Петровны на тему: «Хромосома, специфичная для клеток зародышевого пути, у певчих воробьиных птиц»

Полное наименование организации:	Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Зоологический институт Российской академии наук
Сокращенное наименование организации:	ЗИН РАН
Место нахождения:	Г. Санкт-Петербург
Почтовый адрес с индексом:	199034, г. Санкт-Петербург, Университетская наб., д. 1
Телефон:	(812) 328-03-11
e-mail:	<a href="mailto:admin@zin.ru">admin@zin.ru</a> , <a href="mailto:office@zin.ru">office@zin.ru</a>
Фамилия, имя, отчество, ученая степень, ученое звание, должность руководителя ведущей организации:	Чернецов Никита Севирович, доктор биологических наук, член-корреспондент РАН, директор
Адрес официального сайта в сети «Интернет» (при наличии):	<a href="http://www.zin.ru">http://www.zin.ru</a>
Лаборатории, Кафедры или другие научные подразделения, деятельность которых связана с научным направлением диссертации:	Отделение кариосистематики Лаборатории систематики насекомых

Список основных публикаций работников ведущей организации по теме диссертации в рецензируемых изданиях за последние 5 лет (не более 15 публикаций) прилагается.

Даем согласие на размещение персональных данных на официальном сайте ИЦиГ СО РАН и в единой информационной системе, включение персональных данных в аттестационное дело и их дальнейшую обработку.

Ведущая организация подтверждает, что соискатель и его научный руководитель не являются ее сотрудниками, а также в ведущей организации не ведутся научно-исследовательские работы, по которым соискатель ученой степени является руководителем или работником организации-заказчика или исполнителем.

Ответственный за подачу сведений:

Лухтанов Владимир Александрович, главный научный сотрудник, доктор биологических наук, доцент

Список основных публикаций работников ведущей организации по теме диссертации (специальность 1.5.7 – генетика) в рецензируемых изданиях за последние 5 лет

1. Pazhenkova E.A., Lukhtanov V.A. 2021. Genomic introgression from a distant congener in the Levant fritillary butterfly, *Melitaea acentria*. *Molecular Ecology* 30(19): 4819-4832. doi: 10.1111/mec.16085
2. Makhov I.A., Gorodilova Y.Y., Lukhtanov V.A. 2021. Sympatric occurrence of deeply diverged mitochondrial DNA lineages in Siberian geometrid moths (Lepidoptera, Geometridae): cryptic speciation, mitochondrial introgression, secondary admixture or effect of Wolbachia? *Biological Journal of the Linnean Society* 134(2): 342–365, <https://doi.org/10.1093/biolinnean/blab089>
3. Lukhtanov V.A., Dincă V., Friberg M., Vila R., Wiklund C. 2020. Incomplete sterility of chromosomal hybrids: implications for karyotype evolution and homoploid hybrid speciation. *Frontiers in Genetics* 11: 583827. doi: 10.3389/fgene.2020.583827)
4. Lukhtanov V.A., Dantchenko A.V., Khakimov F.R., Sharafutdinov D., Pazhenkova E.A. 2020. Karyotype evolution and flexible (conventional versus inverted) meiosis in insects with holocentric chromosomes: a case study based on *Polyommatus* butterflies. *Biological Journal of the Linnean Society* 130(4): 683-699. <https://doi.org/10.1093/biolinnean/blaa077>
5. Kuznetsova V.G., Maryńska-Nadachowska A., Anokhin B.A., Shapoval N.A., Shapoval A.P. 2020. Chromosomal analysis of eight species of dragonflies (Anisoptera) and damselflies (Zygoptera) using conventional cytogenetics and fluorescence in situ hybridization: Insights into the karyotype evolution of the ancient insect order Odonata. *Journal of Zoological Systematics and Evolutionary Research* 58: 1–13. doi: 10.1111/jzs.12429
6. Kuznetsova V.G., Grozeva S., Gokhman V.E. 2020. Telomere structure in insects: A review. *Journal of Zoological Systematics and Evolutionary Research* 58: 127–158. doi: 10.1111/jzs.12332
7. Pazhenkova E.A., Lukhtanov V.A. 2019. Nuclear genes (but not mitochondrial DNA barcodes) reveal real species: Evidence from the *Brenthis* fritillary butterflies

- (Lepidoptera, Nymphalidae). *Journal of Zoological Systematics and Evolutionary Research* 57(2): 298-313. doi: 10.1111/jzs.
8. Lukhtanov V.A. 2019. Two types of highly ordered micro- and macrochromosome arrangement in metaphase plates of butterflies (Lepidoptera). *Comparative Cytogenetics* 13(1): 19–25. <https://doi.org/10.3897/CompCytogen.v13i1.32614>
  9. Lukhtanov V.A., Iashenkova Y. 2019. Linking karyotypes with DNA barcodes: proposal for a new standard in chromosomal analysis with an example based on the study of Neotropical Nymphalidae (Lepidoptera). *Comparative Cytogenetics* 13(4): 435–449. <https://doi.org/10.3897/CompCytogen.v13i4.48368>
  10. Gokhman V.E., Kuznetsova V.G. 2018. Presence of the canonical TTAGG insect telomeric repeat in the Tenthredinidae (Symphyta) suggests its ancestral nature in the order Hymenoptera. *Genetica*. 146(3): 341–344. Doi 10.1007/s10709-018-0019-x <https://doi.org/10.1007/s10709-018-0019-x>
  11. Gokhman V.E., Kuznetsova V.G. 2018. Parthenogenesis in Hexapoda: holometabolous insects. *Journal of Zoological Systematics and Evolutionary Research*, 56(1): 23–34. <https://doi.org/10.1111/jzs.12183>
  12. Lukhtanov V.A., Dincă V., Friberg M., Šíchová J., Olofsson M., Vila R., Marec F., Wiklund C. 2018. Versatility of multivalent orientation, inverted meiosis, and rescued fitness in holocentric chromosomal hybrids. *Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America*, 115(41): E9610-E9619. <https://doi.org/10.1073/pnas.1802610115>
  13. Vershinina A.O., Lukhtanov V.A. 2017. Evolutionary mechanisms of runaway chromosome number change in *Agrodiaetus* butterflies. *Scientific Reports* 7: 8199. doi : 10.1038/s41598-017-08525-6
  14. McClure M., Dutrillaux B., Dutrillaux A.-M., Lukhtanov V., Elias M. 2017 [2018]. Heterozygosity and chain multivalents during meiosis illustrate ongoing evolution as a result of multiple holokinetic chromosome fusions in the genus *Melinaea* (Lepidoptera, Nymphalidae). *Cytogenetic and Genome Research* 153(4): 213-222. doi: 10.1159/000487107
  15. Kuznetsova V.G., Maryańska-Nadachowska A., Shapoval N.A., Anokhin B.A., Shapoval A.P. 2017. Cytogenetic characterization of eight Odonata species originating from the Curonian Spit (the Baltic Sea, Russia) using C-banding and FISH with 18S rDNA and telomeric (TTAGG)<sub>n</sub> probes. *Cytogenetic and Genome Research*, 153(3): 147-157. doi: 10.1159/000486088