

ОТЗЫВ

на автореферат Кораблева Алексея Николаевича «Характеристика и эффекты масштабных делеций и дупликаций района гена *Cntn6* мыши, полученных при помощи технологии CRISPR/Cas9», представленную на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.02.07 – «генетика».

Редактирование геномов - одно из самых востребованных и динамично развивающихся направлений современной биологии. Несмотря на вал работ в этой области, достаточно много аспектов и методологических приемов в направленном редактировании геномов остаются недостаточно исследованными.

В работе Кораблева А.Н. описано создание линий мышей с крупными хромосомными перестройками, имитирующими соответствующие патологические изменения генома человека. Совершенно логично, что в работе использована система CRISPR/Cas9, как наиболее удобная и широко распространенная в наше время система геномного редактирования. Конкретно, использовалась микроинъекция мРНК Cas9 и пары гидовых РНК, а также двух одноцепочечных ДНК олигонуклеотидов (мостиков) в цитоплазму мышинных зигот. После микроинъекции, перенесшие процедуру зиготы подсаживали мышам-реципиентам. В результате проведенных экспериментов были инъецированы 599 зигот, из которых 256 были подсажены, что привело к рождению 41 мышонка. Данный эксперимент можно было бы считать масштабным и успешным, но рутинным, если бы не необычайно большая длина участка ДНК между местами разрезания – свыше 1 миллиона нуклеотидов. Подобный масштаб хромосомных перестроек делает работу уникальной и весьма интересной. Тщательный анализ как фаундеров, так и их потомков методами ПЦР, блоттинга, FISH, ОТ ПЦР и секвенирования (как Сенгеровского, так и высокопроизводительного) позволил определить детали изменения последовательностей ДНК и определить частоты образования отдельных продуктов редактирования.

Наиболее интересным и в то же время не вполне объяснимым мне кажется распределение частот встречаемости определенных аллельных вариантов у фаундеров по результатам FISH анализа и у их потомков, по результатам генотипирования. Так, необычным и не объясненным в достаточной степени является наличие небольшой примеси 2-3% клеток дикого типа в гетерозиготных фаундерах №9 и №11, а также примеси клеток с трисомией по 6 хромосоме у мышей фаундеров по делеции/дупликации №1 и №20. Объяснение «погрешностью метода» кажется не очень убедительным, с учетом нулевых частот «необъяснимых» аллелей у других мышей.

