

В ДИССЕРТАЦИОННЫЙ СОВЕТ Д 003.011.01,
созданный на базе ИЦиГ СО РАН

Я, Козлов Константин Николаевич даю согласие выступить официальным оппонентом по диссертации Комышева Евгения Геннадьевича на тему: «Разработка методов автоматического определения количественных характеристик, описывающих фенотипические признаки колоса пшеницы», представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.01.09 математическая биология, биоинформатика.

Место и адрес работы: доцент высшей школы прикладной математики и вычислительной физики ИПММ ФГАОУ ВО Санкт-Петербургский политехнический университет Петра Великого, Политехническая ул., д. 29, корп. НИК (АФ), пом. А.3.28, Санкт-Петербург, 195251

Должность: доцент

Ученая степень: к.б.н. по специальности 03.01.09 - математическая биология, биоинформатика

Ученое звание: б/з

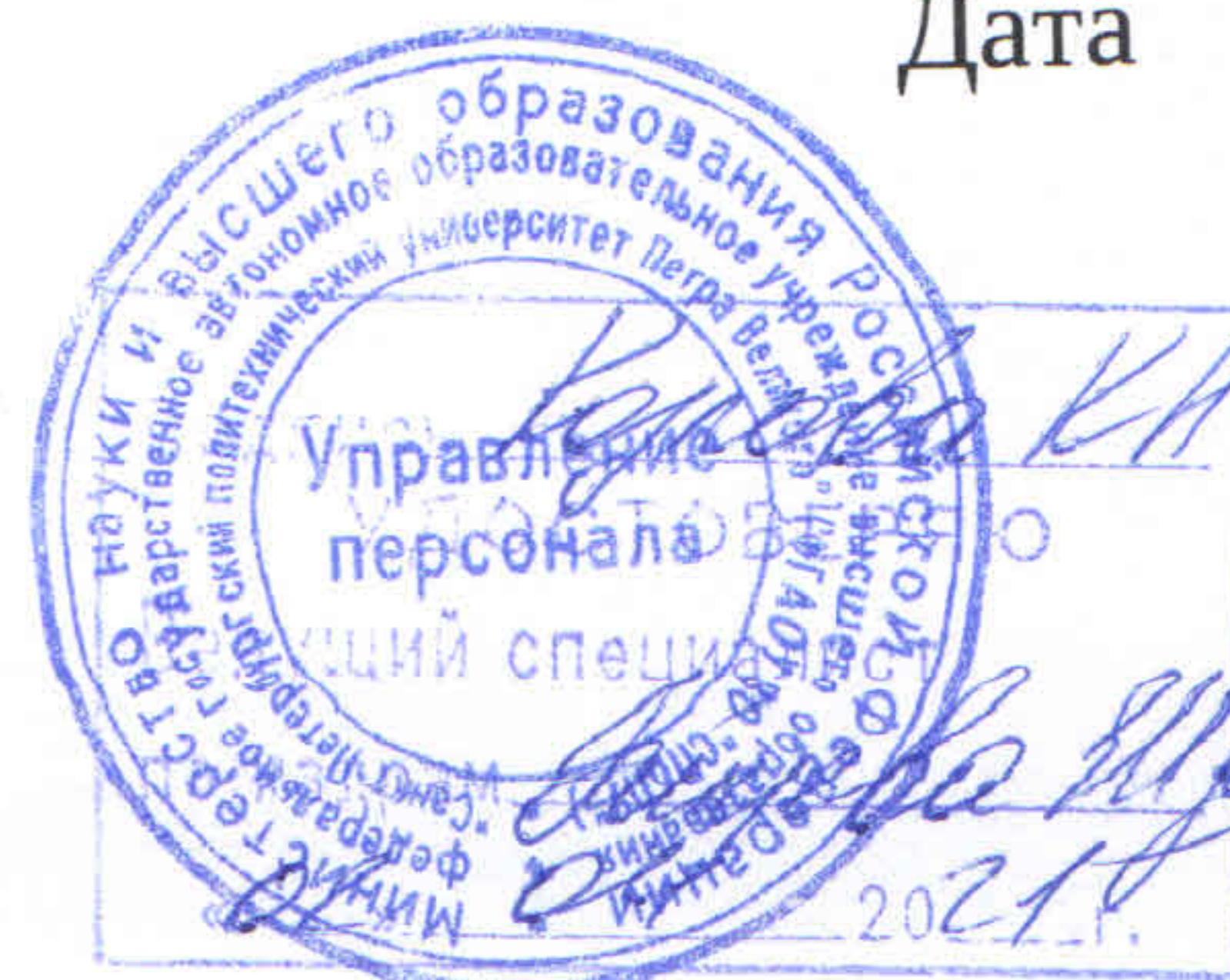
Согласен на обработку моих персональных данных. Информирован о том, что отзыв официального оппонента должен быть датирован за 15 дней и выставлен на официальном сайте Института за 10 дней до защиты (п. 23 Положения о присуждении ученых степеней).

Список публикаций по теме оппонируемой диссертации (за последние 5 лет, не более 15 публикаций) прилагается отдельным файлом.

Подпись:

02.09.2021

Дата



Константин Николаевич Козлов

Публикации:

1. Агеев, А.Ю., Э.Дж. Бишоп-фон Веттберг, С.В. Нуждин, М.Г. Самсонова, К.Н. Козлов. «Прогнозирование времени цветения дикого нута с учетом изменения климата». Биофизика 66, вып. 1 (2021 г.): 126–36.
2. Kozlov K, Sokolkova A, Lee CR, Ting CT, Schafleitner R, Bishop-von Wettberg E, Nuzhdin S, Samsonova M. Dynamical climatic model for time to flowering in *Vigna radiata*. BMC Plant Biol. 2020 Oct 14;20(Suppl 1):202. doi: 10.1186/s12870-020-02408-1. Erratum in: BMC Plant Biol. 2021 Jan 15;21(1):43.
3. Kozlov, K., Singh, A., Berger, J., Bishop-von Wettberg, E., Kahraman, A., Aydogan, A., Cook, D., Nuzhdin, S., & Samsonova, M. (2019). Non-linear regression models for time to flowering in wild chickpea combine genetic and climatic factors. BMC plant biology, 19(Suppl 2), 94.
4. Surkova, S., Sokolkova, A., Kozlov, K., Nuzhdin, S.V., and Samsonova, M. (2019). Quantitative analysis reveals genotype- and domain- specific differences between mRNA and protein expression of segmentation genes in *Drosophila*. Developmental Biology 448, 48–58.
5. Ali, S., Signor, S.A., Kozlov, K., and Nuzhdin, S.V. (2019). Novel approach to quantitative spatial gene expression uncovers genetic stochasticity in the developing *Drosophila* eye. Evolution & Development.
6. Gursky, V.V., Kozlov, K.N., Nuzhdin, S.V., and Samsonova, M.G. (2018). Dynamical Modeling of the Core Gene Network Controlling Flowering Suggests Cumulative Activation From the FLOWERING LOCUS T Gene Homologs in Chickpea. Frontiers in Genetics 9.
7. Л.Ю. Новикова, И.В. Сеферова, К.Н. Козлов, Модельная параметризация времени цветения образцов сои, Биофизика, 2018, том 63, вып. 6, с. 1182–1185
8. К.Н. Козлов, Л.Ю. Новикова, И.В. Сеферова, М.Г. Самсонова, Математическая модель влияния климатических факторов на развитие сои, Биофизика, 2018, том 63, вып. 1, с. 175–176
9. Gursky, V.V., Kozlov, K.N., Kulakovskiy, I.V., Zubair, A., Marjoram, P., Lawrie, D.S., Nuzhdin, S.V., Samsonova, M.G, Translating natural genetic variation to gene expression in a computational model of the *Drosophila* gap gene regulatory network, PLoS ONE, Volume 12, Issue 9, September 2017, Article number e0184657
10. Konstantin Kozlov, Vera Kosheverova, Rimma Kamentseva, Marianna Kharchenko, Alena Sokolkova, Elena Kornilova and Maria Samsonova, Quantitative analysis of the heterogeneous population of endocytic vesicles, 2017, Journal of Bioinformatics and Computational Biology, Vol. 15, No. 2 (2017) 1750008
11. A.A. Chertkova, J. S. Schiffman, S. V. Nuzhdin, K. N. Kozlov, M.G. Samsonova, V. V. Gursky, In silico evolution of the *Drosophila* gap gene regulatory sequence under elevated mutational pressure, BMC Evolutionary biology, 2017, Volume 17, Pages 1-12, DOI 10.1186/s12862-016-0866y
12. Kozlov Konstantin, Samsonov Alexander M., Samsonova Maria. A software for parameter optimization with Differential Evolution Entirely Parallel method // PeerJ Computer Science. — 2016. — August. — Vol. 2. — P. e74. <https://doi.org/10.7717/peerj-cs.74>.