

## Сведения

о ведущей организации, по диссертации на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.01.09 – Математическая биология, биоинформатика Клименко Александра Игоревна на тему: КОМПЬЮТЕРНОЕ МОДЕЛИРОВАНИЕ ГЕНЕТИЧЕСКОЙ ИЗМЕНЧИВОСТИ В ПРОСТРАНСТВЕННО-РАСПРЕДЕЛЁННЫХ МИКРОБНЫХ СООБЩЕСТВАХ

Полное наименование организации:	Федеральное бюджетное учреждение науки «Государственный научный центр вирусологии и биотехнологии «Вектор» Федеральной службы по надзору в сфере защиты прав потребителей и благополучия человека
Сокращенное наименование организации:	ФБУН ГНЦ ВБ «Вектор» Роспотребнадзора
Место нахождения:	Новосибирская область, р.п. Кольцово
Почтовый адрес с индексом:	630599, р.п. Кольцово, Новосибирская область, Россия
Телефон:	8 (383) 3634710, 8 (383) 3366010
e-mail:	<a href="mailto:bazhan@vector.nsc.ru">bazhan@vector.nsc.ru</a>
Фамилия, имя, отчество, ученая степень, ученое звание, должность руководителя ведущей организации:	Максютов Ринат Амирович, докт. биол. наук, генеральный директор
Адрес официального сайта в сети «Интернет» (при наличии):	<a href="http://www.vector.nsc.ru">http://www.vector.nsc.ru</a>
Лаборатории, Кафедры или другие научные подразделения, деятельность которых связана с научным направлением диссертации:	Теоретический отдел

Список основных публикаций работников ведущей организации по теме диссертации в рецензируемых изданиях за последние 5 лет (не более 15 публикаций) прилагается.

Даем согласие на размещение персональных данных на официальном сайте ИЦиГ СО РАН и в единой информационной системе, включение персональных данных в аттестационное дело и их дальнейшую обработку.

Ведущая организация подтверждает, что соискатель и его научный руководитель (консультант) не являются ее сотрудниками, а также в ведущей организации не ведутся научно-исследовательские работы, по которым соискатель ученой степени является руководителем или работником организации-заказчика или исполнителем (соисполнителем).

С уважением,  
Генеральный директор



Р.А. Максютлов

Список основных публикаций работников ведущей организации по теме диссертации в рецензируемых изданиях за последние 5 лет (не более 15 публикаций)

1. В.А. Черешнев, Г.А. Бочаров, А.В. Ким, С.И. Бажан, И.А. Гайнова, А.Н. Красовский, Н.Г. Шмагель, А.В. Иванов, М.А. Сафронов, Р.М. Третьякова ВВЕДЕНИЕ В ЗАДАЧИ МОДЕЛИРОВАНИЯ И УПРАВЛЕНИЯ ДИНАМИКОЙ ВИЧ ИНФЕКЦИИ. Москва, Ижевск, 2016, 230 с.
2. Ratushny A.V., De Leenheer P., Bazhan S.I., Bocharov G.A., Khlebodarova T.M., Likhoshvai V.A.. On the potential for multiscale oscillatory behavior in HIV. *Global Virology II: HIV and NeuroAIDS* (Springer Publ, NY, NY) 2017.
3. Nizolenko LP, Bachinsky AG, Bazhan SI. Evaluation of Influenza Vaccination Efficacy: A Universal Epidemic Model. *Biomed Res Int.* 2016; 2016:5952890. PubMed PMID: 27668256; PubMed Central PMCID: PMC5030473, DOI: 10.1155/2016/5952890.
4. Nazarkina ZhK, Khar'kova MV, Antonets DV, Morozkin ES, Bazhan SI, Karpenko LI, Vlasov VV, Ilyichev AA, Laktionov PP. Design of Polyepitope DNA Vaccine against Breast Carcinoma Cells and Analysis of Its Expression in Dendritic Cells.// *Bull Exp Biol Med.* 2016 Feb;160(4):486-90. doi: 10.1007/s10517-016-3203-y.
5. St. Laurent G., Vyatkin Y., Antonets D., Ri M., Qi Y., Saik O., Shtokalo D., de Hoon M.J., Kawaji H., Itoh M., Lassmann T., Arner E., Forrest A.R., FANTOM consortium, Nicolas E., McCaffrey T.A., Carninci P., Hayashizaki Y., Wahlestedt C., Kapranov P. Functional annotation of the vlinc class of non-coding RNAs using systems biology approach. *Nucleic Acids Res.* 2016 Apr 20;44(7):3233-52. doi: 10.1093/nar/gkw162. Epub 2016 Mar 21. PubMed PMID: 27001520; PubMed Central PMCID: PMC4838384.
6. Reguzova A., Antonets D., Karpenko L., Ilyichev A., Maksyutov R., Bazhan S. Design and evaluation of optimized artificial HIV-1 poly-T cell-epitope immunogens // *PLoS ONE.* - 2015. - V. 10, № 3. WoS, Scopus, РИНЦ
7. Likhoshvai V.A., Khlebodarova T.M., Bazhan S.I., Gainova I.A., Chereshev V.A., Bocharov G.A. Mathematical model of the Tat-Rev regulation of HIV-1 replication in an activated cell predicts the existence of oscillatory dynamics in the synthesis of viral components. *BMC Genomics.* 2014 Dec 19;15 Suppl 12:S1. doi:10.1186/1471-2164-15-S12-S1.
8. Karpenko L.I., Bazhan S.I., Antonets D.V., Belaykov I.M. Novel approaches in polyepitope T-cell vaccine development against HIV-1 // *Expert Review of Vaccine.* 2014 Jan;13(1):155-73. doi: 10.1586/14760584.2014.861748.

9. Antonets D.V., Bazhan S.I. PolyCTLDesigner: a computational tool for constructing polypeptide T-cell antigens. *BMC Res. Notes*. 2013 Oct 10;6:407. doi: 10.1186/1756-0500-6-407.
10. St. Laurent G., Tackett M.R., Nechkin S., Shtokalo D., Antonets D., Savva Y.A., Maloney R., Kapranov P., Lawrence C.E., Reenan R.A. Genome-wide analysis of A-to-I RNA editing by single-molecule sequencing in *Drosophila*. *Nat Struct Mol Biol*. 2013 Nov;20(11):1333-9. doi: 10.1038/nsmb.2675. Epub 2013 Sep 29. PubMed PMID: 24077224.
11. Bocharov G., Chereshev V., Gainova I., Bazhan S., Bachmetyev B., Argilaguet J., Martinez J., Meyerhans A. Human Immunodeficiency Virus Infection: from Biological Observations to Mechanistic Mathematical Modelling. *Math. Model. Nat. Phenom*. Vol. 7, No. 5, 2012, pp. 78-104.