

ОТЗЫВ
на автореферат диссертации Клименко Александры Игоревны «**Компьютерное моделирование генетической изменчивости в пространственно-распределённых микробных сообществах**», представленной на соискание степени кандидата биологических наук по специальности 03.01.09. -математическая биология, биоинформатика

Сообщества микроорганизмов представляют собой интересный модельный объект для изучения процессов эволюции и формирования генетического разнообразия видов, входящих в состав этих сообществ. Особенностью таких сообществ является то, что формирование новых признаков у организмов происходит не только за счет мутационного процесса, но и за счет горизонтального переноса генов. Математическое моделирование – это одно из динамично развивающихся направлений изучения эволюции сообществ. Преимущество подхода заключается в том, что исследователь, в отличии от натурных наблюдений, имеет полную информацию о том, какие процессы привели к наблюдаемой картине видового и генетического разнообразия организмов в сообществе.

Работа А.И. Клименко посвящена актуальной теме – формированию видового и генетического разнообразия в сообществах микроорганизмов (гаплоидных видов) при различных типах экологического взаимодействия, с помощью компьютерного моделирования. Рассмотрены следующие модели: модель сообщества из двух видов, взаимодействующих по типу "отравитель - жертва"; модель симбиотически взаимодействующих видов; модель сообщества в среде с неравномерным распределением концентраций компонентов субстрата; модель сообщества с горизонтальным переносом генов между организмами; модель сообщества с межорганизменным хемотаксисом; сообщество видов, взаимодействующих по типу "вирус-хозяин". Рассматривается широкий круг вопросов, связанных с изменением генетической структуры, видового состава и пространственной организации взаимодействующих организмов при изменении параметров компьютерной модели.

В процессе выполнения работы А.И. Клименко была решена задача модификации модели гаплоидного эволюционного конструктора, позволяющая моделировать процессы в неоднородной среде обитания. Модификация предполагает, что среда, в которой функционируют сообщества, поделена на равные ячейки с разными условиями обитания для организмов разных видов. Представленная модификация программного комплекса "ГЭК 3D" может быть использована широким кругом исследователей для моделирования процессов эволюции сообществ в неоднородных средах.

Материал в автореферате изложен последовательно, логично и аргументировано. Иллюстративный материал позволяет сделать представления о структуре и результатах модельных экспериментов.

Вместе с тем, автореферат А.И. Клименко имеет ряд недостатков, большинство из которых связано с путаницей при использовании различных общепринятых терминов. В названии работы и тексте автореферата применяется термин "изменчивость", который в генетике имеет два значения: 1) разнообразие признаков среди представителей данного вида (популяции) – синоним генетическое разнообразие или генетическая вариабельность; 2) свойство потомков приобретать отличия от родительских форм. При прочтении автореферата интуитивно понятно, что автор работает в рамках первого определения. С другой стороны в тексте на странице 5 в четвертом абзаце используется словосочетание "генетическое разнообразие и изменчивость", где изменчивость противопоставляется разнообразию. Это позволяет неоднозначно трактовать значение термина читателям автореферата. В работе часто путается понятие популяции и понятие вида. При прочтении второго абзаца на 11 странице встречается фраза "процессы переноса генов между клетками разных популяций". В рамках определения понятия популяция как группы особей вида, занимающей часть ареала и отделенной от других групп какой либо степенью изоляции, эта фраза однозначно трактуется так: горизонтальный перенос генов происходил между особями разных популяций одного вида

микроорганизмов. Контекст работы все-таки подразумевает перенос генов между разными видами микроорганизмов.

Тем не менее, актуальность, научная новизна и практическая значимость работы А.И. Клименко несомненны. Результаты диссертации, описанные в автореферате, основаны на современном научном уровне и представляют собой законченное научное исследование. Автореферат диссертации составлен с соблюдением установленных требований, дает адекватное представление о работе. Основные положения проведенных исследований нашли отражение в 4 публикациях в рецензируемых научных журналах индексируемых базами данных WoS и Scopus, и одной публикации в рецензируемой монографии. Результаты работы докладывались на Российских и международных конференциях.

Таким образом, полученные результаты соответствуют уровню кандидатской диссертации, а ее автор заслуживает присуждения степени кандидата биологических наук по рассматриваемой специальности.

Отзыв составил к.б.н., с.н.с. лаб. геносистематики ФГБУН Лимнологического института СО РАН Букин Юрий Сергеевич

06.03.2018г. №Букин

Почтовый адрес 664033 г. Иркутск, ул Улан Баторская - 3, а/я 278.

Подпись к.б.н., с.н.с. лаб. геносистематики

Ю.С. Букина заверяю

ученый секретарь ФГБУН

Лимнологического института СО РАН

к.б.н. Н.В Максимова

