



В диссертационный совет Д 003.011.01

ФГБНУ «Федеральный
исследовательский центр
Институт цитологии и генетики СО РАН»
академику РАН
Шумному В.К.

МИНОБРНАУКИ РОССИИ

федеральное государственное автономное
образовательное учреждение высшего образования
«Санкт-Петербургский политехнический
университет Петра Великого»
(ФГАОУ ВО «СПбПУ»)

ИНН 7804040077, ОГРН 1027802505279,
ОКПО 02068574

Политехническая ул., 29, Санкт-Петербург, 195251
тел.: +7(812)297 2095, факс: +7(812)552 6080
office@spbstu.ru

№ _____
на № _____ от _____

Федеральное государственное автономное образовательное учреждение высшего образования «Санкт-Петербургский политехнический университет Петра Великого» согласно выступить в качестве ведущей организации по диссертационной работе Казанцева Федора Владимировича на тему: «Интегрированная информационно-компьютерная платформа для исследования молекулярно-генетических систем» на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.01.09 – математическая биология, биоинформатика.

Приложение: сведения о ведущей организации

С уважением,

Проректор по научной работе,
член-корр. РАН, д.т.н.



В.В. Сергеев

000311

Сведения

О ведущей организации, по диссертации на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.01.09 – математическая биология, биоинформатика Казанцева Федора Владимировича на тему: «Интегрированная информационно-компьютерная платформа для исследования молекулярно-генетических систем»

Полное наименование организации:	федеральное государственное автономное образовательное учреждение высшего образования «Санкт-Петербургский политехнический университет Петра Великого»
Сокращенное наименование организации:	ФГАОУ ВО СПбПУ, СПбПУ, ФГАОУ ВО «СПбПУ», Политех, Санкт-Петербургский политехнический университет Петра Великого
Место нахождения:	Россия, 195251, г.Санкт-Петербург, ул.Политехническая, дом 29.
Почтовый адрес с индексом:	Россия, 195251, г.Санкт-Петербург, ул.Политехническая, дом 29.
Телефон:	+7 (812) 297-20-95
e-mail:	office@spbstu.ru
Фамилия, имя, отчество, ученая степень, ученое звание, должность руководителя ведущей организации:	Рудской Андрей Иванович, доктор технических наук, профессор, академик Российской Академии Наук, ректор
Адрес официального сайта в сети «Интернет» (при наличии):	https://www.spbstu.ru
Лаборатории, Кафедры или другие научные подразделения, деятельность которых связана с научным направлением диссертации:	Научно-исследовательская лаборатория «Математической биологии и биоинформатики» Института прикладной математики и механики

Список основных публикаций работников ведущей организации по теме диссертации в рецензируемых изданиях за последние 5 лет (не более 15 публикаций) прилагается.

Даем согласие на размещение персональных данных на официальном сайте ИЦиГ СО РАН и в единой информационной системе, включение персональных данных в аттестационное дело и их дальнейшую обработку.

Ведущая организация подтверждает, что соискатель и его научный руководитель (консультант) не являются ее сотрудниками, а также в ведущей организации не ведутся научно-исследовательские работы, по которым соискатель ученой степени является руководителем или работником организации-заказчика, или исполнителем (соисполнителем).

Проректор по научной работе
член-корр. РАН, д.т.н.

В.В. Сергеев



Список публикаций за последние 5 лет

1. Таратухин, О.Д., Л.Ю. Новикова, И.В. Сеферова, Т.В. Герасимова, С. В. Нуждин, М.Г. Самсонова, и К.Н. Козлов. (2020). «Нейросетевая модель прогнозирования фенологии скороспелых сортов сои по климатическим факторам». *Биофизика* 65, вып. 1: 125–37. <https://doi.org/10.31857/S0006302920010159>.
2. Козлов, К.Н., Самсонова, М.Г., and Нуждин, С.В. (2019). Регрессионная модель времени цветения староместных сортов нута. *Генетика* 55, 978–982.
3. Таратухин, О.Д., Новикова, Л.Ю., Сеферова, И.В., and Козлов, К.Н. (2019). Моделирование фенологии сои с помощью искусственных нейронных сетей. *Биофизика* 64, 563–571.
4. Surkova, S., Sokolkova, A., Kozlov, K., Nuzhdin, S.V., and Samsonova, M. (2019). Quantitative analysis reveals genotype- and domain- specific differences between mRNA and protein expression of segmentation genes in *Drosophila*. *Developmental Biology* 448, 48–58.
5. Ali S, Signor SA, Kozlov K, Nuzhdin SV. Novel approach to quantitative spatial gene expression uncovers genetic stochasticity in the developing *Drosophila* eye. *Evolution & Development*. 2019;1–15. <https://doi.org/10.1111/ede.12283>
6. Gursky, V.V., Kozlov, K.N., Nuzhdin, S.V., and Samsonova, M.G. (2018). Dynamical Modeling of the Core Gene Network Controlling Flowering Suggests Cumulative Activation From the FLOWERING LOCUS T Gene Homologs in Chickpea. *Frontiers in Genetics* 9.
7. Kozlov, K., Singh, A., Berger, J., Wettberg, E.B., Kahraman, A., Aydogan, A., Cook, D., Nuzhdin, S., and Samsonova, M. (2018). Non-linear regression models for time to flowering in wild chickpea combine genetic and climatic factors. *BMC Plant Biology* 19, S2.
8. Л.Ю. Новикова, И.В. Сеферова, К.Н. Козлов, Модельная параметризация времени цветения образцов сои, *Биофизика*, 2018, том 63, вып. 6, с. 1182–1185, L.Yu. Novikova, I.V. Seferova, and K.N. Kozlov, Model Parameterization: the Timing of Flowering in Soybean Accessions, *Biophysics*, 2018, Vol. 63, issue 6, pp. 1182–1185
9. Gursky, V.V., Kozlov, K.N., Kulakovskiy, I.V., Zubair, A., Marjoram, P., Lawrie, D.S., Nuzhdin, S.V., Samsonova, M.G, Translating natural genetic variation to gene expression in a computational model of the *Drosophila* gap gene regulatory network, *PLoS ONE*, Volume 12, Issue 9, September 2017, Article number e0184657
10. Konstantin Kozlov, Vera Kosheverova, Rimma Kamentseva, Marianna Kharchenko, Alena Sokolkova, Elena Kornilova and Maria Samsonova, Quantitative analysis of the heterogeneous population of endocytic vesicles, 2017, *Journal of Bioinformatics and Computational Biology*, Vol. 15, No. 2 (2017) 1750008
11. A.A. Chertkova, J. S. Schiffman, S. V. Nuzhdin, K. N. Kozlov, M.G. Samsonova, V. V. Gursky, In silico evolution of the *Drosophila* gap gene regulatory sequence under elevated mutational pressure, *BMC Evolutionary biology*, 2017, Volume 17, Pages 1-12, DOI 10.1186/s12862-016-0866y
12. Kozlov Konstantin, Samsonov Alexander M., Samsonova Maria. A software for parameter optimization with Differential Evolution Entirely Parallel method // *PeerJ Computer Science*. — 2016. — August. — Vol. 2. — P. e74. <https://doi.org/10.7717/peerj-cs.74>.
13. Konstantin Kozlov, Vitaly Gursky, Ivan Kulakovskiy, Arina Dymova and Maria Samsonova, Analysis of functional importance of binding sites in the *Drosophila* gap gene network model. *BMC Genomics* 2015, 16(Suppl 13):S7, doi:10.1186/1471-2164-16-S13-S7 Published: 2015.
14. К.Н. Козлов, А.М.Самсонов, М.Г. Самсонова, «Метод полностью параллельной разностной эволюции для адаптации моделей в системной биологии», *БИОФИЗИКА*, 2015, том 60, вып. 6, с. 1219–1220
15. K. Kozlov, D. Chebotarev, M. Hassan, M. Triska, P. Triska, P. Flegontov, and T. Tatarinova, Differential evolution approach to detect recent admixture, *BMC Genomics* 16 (2015), p. S9, Available at <http://www.biomedcentral.com/1471-2164/16/S8/S9>.