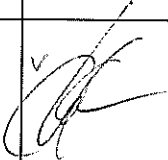


### СВЕДЕНИЯ

об официальном оппоненте по диссертации Алемасова Николая Александровича на тему: «Компьютерный анализ связи между конформационными свойствами мутантных форм белка SOD1 и боковым амиотрофическим склерозом с использованием методов молекулярного моделирования», представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.01.09 – математическая биология, биоинформатика

NN п.п.	Фамилия, имя, отчество оппонента	Место основной работы, должность (с указанием структурного подразделения, <u>включая</u> <u>работу по</u> <u>совместительству</u> )	Ученая степень, звание, шифр специальности	Основные работы по профилю оппонируемой диссертации	Согласие официального оппонента (подпись)
1.	Антонец Денис Викторович	Федеральное бюджетное учреждение науки «Государственный научный центр вирусологии и биотехнологии «Вектор» Федеральной службы по надзору в сфере защиты прав потребителей и благополучия человека», теоретический отдел, старший научный сотрудник. Институт систем информатики имени А. П. Ершова СО РАН, лаборатория моделирования сложных систем, ведущий программист.	кандидат биологических наук, 03.01.03 – молекулярная биология	<ol style="list-style-type: none"> <li>1. Borobova E.A., Antonets D.V., Starostina E.V., Karpenko L.I., Ilyichev A.A., Bazhan S.I. Design of Artificial Immunogens Containing Melanoma-associated T-cell Epitopes. <i>Curr Gene Ther.</i> 2018;18(6):375-385.</li> <li>2. Ovchinnikov V.Y., Antonets D.V., Gulyaeva L.F. The search of CAR, AHR, ESRS binding sites in promoters of intronic and intergenic microRNAs. <i>Journal of Bioinformatics and Computational Biology.</i> 2018. T. 16. № 1. С. 1750029.</li> <li>3. St Laurent G., Vyatkin Y., Antonets D., Ri M., Qi Y., Saik O., Shtokalo D., de Hoon M.J., Kawaji H., Itoh M., Lassmann T., Arner E., Forrest A.R.; FANTOM consortium, Nicolas E., McCaffrey T.A., Carninci P., Hayashizaki Y., Wahlestedt C., Kapranov P. Functional annotation of the vlinc class of non-coding RNAs using systems biology approach. <i>Nucleic Acids Res.</i> 2016, 44(7):3233-3252.</li> </ol>	

				<p>4. Nazarkina Zh.K., Khar'kova M.V., Antonets D.V., Morozkin E.S., Bazhan S.I., Karpenko L.I., Vlasov V.V., Ilyichev A.A., Laktionov P.P. Design of Polyepitope DNA Vaccine against Breast Carcinoma Cells and Analysis of Its Expression in Dendritic Cells. Bull Exp Biol Med. 2016, 160(4):486-490.</p> <p>5. Reguzova A., Antonets D., Karpenko L., Ilyichev A., Maksyutov R., Bazhan S. Design and evaluation of optimized artificial HIV-1 poly-T cell-epitope immunogens. PLoS One, 2015, V. 10, e0116412.</p> <p>6. Karpenko L.I., Bazhan S.I., Antonets D.V., Belyakov I.M. Novel approaches in polyepitope T-cell vaccine development against HIV-1. Expert Review of Vaccines, 2014, V. 13, P. 155-173.</p> <p>7. St Laurent G., Tackett M.R., Nechkin S., Shtokalo D., Antonets D., Savva Y.A., Maloney R., Kapranov P., Lawrence C.E., Reenan R.A. Genome-wide analysis of A-to-I RNA editing by single-molecule sequencing in Drosophila. Nat Struct Mol Biol. 2013. V. 20(11), P.1333-1339.</p> <p>8. Antonets D.V., Bazhan S.I. PolyCTLDesigner: a computational tool for constructing polyepitope T-cell antigens. BMC Res. Notes. 2013, V. 6, 407.</p>	
--	--	--	--	--	--

Ученый секретарь ФБУН ГНЦ ВБ «Вектор»  
 Роспотребнадзора, кандидат биологических наук  
 доцент



*О.А. Плясунова*

О.А. Плясунова