СИБИРСКОЕ ОТДЕЛЕНИЕ РОССИЙСКОЙ АКАДЕМИИ НАУК Институт цитологии и генетики

Прохорович Мария Александровна

Хромосомные аномалии в эмбриональных стволовых клетках человека hESM01-04

Научный руководитель д. б. н. Рубцов Николай Борисович

Новосибирск – 2008

Слайд 2 из 17

Цель работы:

оценить стабильность кариотипа эмбриональных стволовых клеток (ЭСК) человека в процессе культивирования и определить характеристики, по которым ЭСК с выявленными хромосомными перестройками отличаются от клеток исходных линий.

Задачи:

1) провести цитогенетический анализ эмбриональных стволовых клеток (ЭСК) человека четырёх линий – hESM01, hESM02, hESM03 и hESM04 – в процессе культивирования;

 провести молекулярно-цитогенетический анализ состава и организации выявленных перестроенных хромосом;

- 3) получить и охарактеризовать дифференцированные клетки из ЭСК с нормальным кариотипом, а также из ЭСК, несущих выявленные аномальные хромосомы;
- 4) провести сравнительный анализ характеристик ЭСК исходных линий hESM01-04 и ЭСК, несущих аномальные хромосомы;
- 5) разработать метод одновременной визуализации и идентификации хромосомных территорий перестроенной хромосомы и её нормального гомолога в трёхмерном пространстве интерфазного ядра ЭСК, несущих выявленные аномальные хромосомы;

6)провести оценку влияния хромосомных перестроек на положение хромосом в интерфазных ядрах ЭСК, несущих выявленные аномальные хромосомы.

Общий вид колонии hESM01



Фибробластоподобные производные клеток hESM01



Результаты иммуноокрашивания дифференцированных клеток с помощью антител против CD105 (а), пролилгидроксилазы (б); ядра окрашены DAPI – синий цвет.





Сублиния hESM01r18. 46, XX, r(18)

Сублиния hESM03der9. 46, XX, del(4),der(9)









Иммуноокрашивание клеток hESM01r18. На фотографиях «а» и «б» представлены фрагменты колоний. а – Tra-1-60 – красный сигнал, ядра окрашены DAPI – синий цвет; б – OCT4 – зелёный сигнал.

Слайд 6 из 17

Реорганизация хромосомы 18 в клетках сублинии ESM01r18

FISH теломерной ДНК пробы с хромосомами клеток сублинии ESM01r18



FISH микродиссекционной ДНК пробы der(18) с хромосомами клеток сублинии hESM01r18



Слайд 7 из 17

Реорганизация хромосомы 18 в клетках сублинии ESM01r18

FISH микродиссекционной ДНК пробы der(18) с метафазными хромосомами лимфоцитов взрослого человека с нормальным кариотипом



Слайд 8 из 17

Реорганизация хромосомы 18 в клетках сублинии hESM01r18

FISH микродиссекционной ДНК пробы der(18) с хромосомами клеток сублинии hESM01r18



Реорганизация хромосомы 4 в клетках сублинии hESM03der9

FISH микродиссекционной комбинированной ДНК пробы del(4)

а - с хромосомами клеток сублинии hESM03der9; б - с хромосомами лимфоцитов здорового донора (фрагмент пластинки).



del(4)(q25q31.1)



Реорганизация хромосомы 9 в клетках сублинии hESM03der9

Схема микродиссекции нормальной хромосомы 9 и der(9) для получения хромосомоспецифичных проб WCP9 и WCPder(9), а также районоспецифичных проб PCPder(9)-р, PCPder(9)-1, PCPder(9)-2 и центромерной пробы PCPC



Реорганизация хромосомы 9 в клетках сублинии hESM03der9

FISH хромосомоспецифичной WCPder(9) (красный цвет) и прицентромерной PCP9C (жёлтый цвет) микродиссекционных ДНК проб с хромосомами клеток сублинии hESM03der9.



Визуализация и идентификация хромосомных территорий хромосомы 18 и её деривата

FISH с хромосомами клеток сублинии hESM01r18 ДНК пробы, приготовленной на базе клонированного фрагмента ДНК из района делеции.



Совместная 3D FISH ДНК пробы, маркирующей нормальный гомолог хромосомы 18, и хромосомоспецифичной пробы WCP18, окрашивающей хромосомные территории хромосомы 18 и её деривата. Ядра окрашены DAPI – синий цвет.



Оптические срезы двух ядер (три проекции).

Трёхмерная реконструкция хромосомных территорий хромосом 18 и r18 в ядрах клеток hESM01r18

Совместная 3D FISH ДНК пробы, маркирующей нормальный гомолог хромосомы 18, и хромосомоспецифичной пробы WCP18, окрашивающей хромосомные территории хромосомы 18 и её деривата. Ядра окрашены DAPI – синий цвет.





Серии оптических срезов.

<mark>Локализация хромосомных территорий хромосом</mark> 18 и r(18) в клетках сублинии hESM01r18

Пять различных вариантов расположения хромосомной территории в ядре



1. Хромосомная территории лежит в периферической области ядра с трёх сторон.

 Хромосомная территории лежит в периферической области ядра с двух сторон.

3. Хромосомная территория касается ядрышка и лежит в периферической области ядра.

4. Хромосомная территория касается ядрышка.

5. Хромосомная территория касается двух ядрышек.

Зелёным цветом обозначены хромосомные территории Красным цветом обозначены ядрышки

локализация	1	2	3	4	5
хромосомная территория					
хромосома 18 (нормальный гомолог)	10	19	56	2	3
хромосома r(18) (кольцевой дериват)	16	35	34	5	0

3D реконструкция хромосомы 9 и её деривата в пространстве интерфазного ядра клетки сублинии hESM03der9

<mark>3D FISH хромосомоспецифичной WCPder(9) (зелёный цвет) и прицентромерной PCP9C (красный цвет) ДНК проб с ядрами ESM03der9.</mark>



Выводы

1) Получены две сублинии ЭСК, отягощённые хромосомными перестройками, в то же время показано, что при проведении регулярного мониторинга состояния кариотипа возможно проведение длительного культивирования клеток hESM01-04, не сопровождающееся тотальной дестабилизацией кариотипа.

- Детально охарактеризованы выявленные аномальные хромосомы, являвшиеся производными хромосом 4, 9 и 18, с помощью полученного комплекта микродиссекционных проб.
- Показано, что, несмотря на сохранение «маркёров плюрипотентности», способности к дифференцировке ЭСК, отягощённых выявленными хромосомными аномалиями, снижены по сравнению с клетками исходных линий hESM01-04.

Выводы

4) Разработан метод одновременной визуализации и идентификации хромосомных территорий хромосомы 18 и её деривата в клетках hESM01r18, хромосомы 9 и её деривата в клетках hESM03der9.

5) На примере хромосомных территорий хромосом r18 и её нормального гомолога показано, что хромосомная перестройка сопровождалась изменением локализации перестроенной хромосомы по сравнению с локализацией её нормального гомолога относительно периферической области ядра и ядрышек. На примере аномалии хромосомы 9 в клетках hESM03der9 и их дифференцированных производных показано, что дуплицированный район, содержащий последовательности, гомологичные прицентромерным повторам, локализуется предпочтительно в периферической области ядра, также как и прицентромерные районы хромосом 9 и её деривата.

Спасибо за внимание!